

Más información:

Simon Hippenmeyer estudió Biología Molecular y obtuvo un doctorado en Neurobiología en el Biozentrum de la Universidad de Basilea (Suiza) en el laboratorio de Silvia Arber. Fue becario postdoctoral en la Universidad de Stanford (EE. UU.) en el laboratorio de Liqun Luo. En 2012 se incorporó al Instituto de Ciencia y Tecnología de Austria (ISTA) como profesor asistente y en 2019 se convirtió en profesor. Desde 2020 es también Catedrático del Área de Investigación en Ciencias de la Vida.

En el INSTA dirige el grupo [Disección genética del desarrollo de la corteza cerebral](#) y su investigación se centra en cuestiones neurobiológicas fundamentales relacionadas con la biología de las células madre neurales, el desarrollo neuronal y el ensamblaje de circuitos. El objetivo final de la investigación que se desarrolla en este laboratorio es avanzar en la comprensión general de la función cerebral y en el entendimiento de por qué el desarrollo del cerebro humano es tan sensible a la alteración de vías de señalización particulares en enfermedades patológicas del neurodesarrollo y trastornos psiquiátricos.

Publicaciones destacadas:

Cheung G, Pauder FM, Koppensteiner P, Krausgruber T, Streicher C, Schrammel M, Gutmann-Özgen N, Ivec AE, Bock C, Shigemoto R, Hippenmeyer S. **Multipotent progenitors instruct ontogeny of the superior colliculus.** *Neuron*. 2024 Jan 17;112(2):230- 246.e11. doi: [10.1016/j.neuron.2023.11.009](https://doi.org/10.1016/j.neuron.2023.11.009).

Hippenmeyer S. **Principles of neural stem cell lineage progression: Insights from developing cerebral cortex.** *Current Opinion in Neurobiology*. 2023 Apr;79:102695. doi: [10.1016/j.conb.2023.102695](https://doi.org/10.1016/j.conb.2023.102695). Epub 2023 Feb 24. PMID: 36842274 Free article. Review.

Amberg N, Pauder FM, Streicher C, Hippenmeyer S. **Tissue-wide genetic and cellular landscape shapes the execution of sequential PRC2 functions in neural stem cell lineage progression.** *Science Advances*. 2022 Nov 4;8(44):eabq1263. doi: [10.1126/sciadv.abq1263](https://doi.org/10.1126/sciadv.abq1263). Epub 2022 Nov 2. PMID: 36322669 Free PMC article.

Contreras X, Amberg N, Davaatseren A, Hansen AH, Sonntag J, Andersen L, Bernthalier T, Streicher C, Heger A, Johnson RL, Schwarz LA, Luo L, Rülicke T, Hippenmeyer S. **A genome-wide library of MADM mice for single-cell genetic mosaic analysis.** *Cell Reports*. 2021 Jun 22;35(12):109274. doi: [10.1016/j.celrep.2021.109274](https://doi.org/10.1016/j.celrep.2021.109274). PMID: 34161767 Free PMC article.

Laukoter S, Pauder FM, Beattie R, Amberg N, Hansen AH, Streicher C, Penz T, Bock C, Hippenmeyer S. **Cell-Type Specificity of Genomic Imprinting in Cerebral Cortex.** *Neuron*. 2020 Sep 23;107(6):1160-1179.e9. doi: [10.1016/j.neuron.2020.06.031](https://doi.org/10.1016/j.neuron.2020.06.031). Free PMC article.

Beattie R, Postiglione MP, Burnett LE, Laukoter S, Streicher C, Pautler FM, Xiao G, Klezovitch O, Vasioukhin V, Ghashghaei TH, Hippenmeyer S. **Mosaic Analysis with Double Markers Reveals Distinct Sequential Functions of Lgl1 in Neural Stem Cells.** *Neuron*. 2017 May 3;94 (3): 517-533.e3. doi: [10.1016/j.neuron.2017.04.012](https://doi.org/10.1016/j.neuron.2017.04.012). PMID: 28472654 Free article.

Hippenmeyer S, Johnson RL, Luo L. **Mosaic analysis with double markers reveals cell-type-specific paternal growth dominance.** *Cell Reports*. 2013 Mar 28;3(3):960-7. doi: [10.1016/j.celrep.2013.02.002](https://doi.org/10.1016/j.celrep.2013.02.002). Epub 2013 Feb 28. PMID: 23453967 Free PMC article.

